

Phylogenetische Analyse mit TNT

Ziel dieses ganztägigen Workshops ist es, die Grundlagen parsimonischer Analyse mit TNT (Goloboff, Farris & Nixon, 2008; Freeware) zu vermitteln.

Inhalte

- Ermittlung der parsimonischsten Bäume mit verschiedenen Suchstrategien: exakte und heuristische Suche sowie New Technology Search
- Ermittlung von Konsensusbäumen und Unterstützungswerten (z. B. Bremer support, Bootstrap, GC value etc.)
- Implied Weighting
- Merkmalsoptimierung und Merkmalsanalyse

Je nach Interessen der Teilnehmer können unterschiedliche Schwerpunkte gesetzt werden.

Voraussetzung

Theoretisches Grundwissen Phylogenetik; bitte einen eigenen Laptop mit Windows-Betriebssystem mitnehmen.

Vorbereitung

Download TNT <http://www.zmuc.dk/public/phylogeny/TNT/> -> WIN (menu interface)

Download Winclada http://www.cladistics.com/about_winc.htm

Optional: Publikation „TNT, a free program for phylogenetic analysis“ (Goloboff, Farris & Nixon, 2008: <http://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1111/j.1096-0031.2008.00217.x/pdf>) anschauen und einen Blick ins Programm werfen.

19. September 2013, 9.00 Uhr c.t.

Ort: Naturhistorisches Museum Wien

Kurssaal; Eingang: Burgring 7

Kursgebühr: 20 € - Teilnahme für NOBISTen gratis

www.nobis-austria.at

Beschränkte Teilnehmerzahl; Anmeldung bis **13. September** an:

dominique.zimmermann@nhm-wien.ac.at